

## 南京农业大学人工智能学院师资队伍（个人信息）

姓 名	薛卫	性 别	男	
学 位	博士	职 称	副教授	
部 门 (系别)	计算机系	E-mail	xwsky@njau.edu.cn	
通信地址	南京市玄武区南京农业大学人工智能学院			
个人简介	<p>● 教育经历（从高中毕业后起）：  <b>1996.09-2000.06</b> 无锡轻工大学  <b>2000.09-2003.06</b> 江南大学      计算机科学与技术硕士  <b>2004.09-2007.06</b> 南京大学      电子科学与工程博士</p> <p>● 工作经历</p>			
研究领域	图像处理,人工智能 ,生物信息学.			
教授课程	软件工程、UNIX 系统、Python 程序设计等			
承担项目	<p>1 农业废弃物好氧生物转化过程分析模型与大数据平台构建，国家重点研发项目。</p> <p>2 树干毕赤酵母基因组代谢网络的构建与模拟，省基础研究计划项目（面上项目、青年项目、攀登计划）。</p> <p>3 蛋白质亚细胞区间多标记预测，中央高校业务经费。</p>			
学术成果 (论文、专利、 软著等)	<p>论文：</p> <p>1 Xue W , Hu X , Wei Z , et al. A fast and easy method for predicting agricultural waste compost maturity by image-based deep learning[J]. Bioresource Technology, 2019, 290:121761.</p> <p>2 薛卫, 胡雪娇, 韦中, 梅新兰, 陈行健, 徐阳春. 基于卷积神经网络的堆肥腐熟度预测[J]. 植物营养与肥料学报, 2019, 25(11): 1977-1988.</p> <p>3 Chen X, Hu X, Yi W, Xiang Z, Wei X. Prediction of Apoptosis Protein Subcellular Localization with Multilayer Sparse Coding and Oversampling Approach[J]. BioMed Research International, 2019, 2019:1-9</p> <p>4 陈行健, 胡雪娇, 薛卫(*). 基于关系拓展的改进词袋模型研究[J]. 小型微型计算机系统, 2019, 40(5) : 1040-1044</p> <p>5 陈行健, 胡雪娇, 薛卫(*). 基于多层次稀疏编码预测蛋白质亚细胞定位[J]. 生物工程学报, 2019, 35(4) : 687-696</p> <p>6 薛卫, 杨荣丽, 赵南, et al. 空间密度相似性度量 K-means 算法 [J]. 小型微型计算机系统, 2018, 39(001):53-57.</p>			

	<p>7 赵南, 张梁, 薛卫(*)等. 词袋模型在蛋白质亚细胞定位预测中的应用[J]. 食品与生物技术学报, 2017, 36 (3): 296-301</p> <p>8 薛卫, 杨荣丽, 赵南.空间密度相似性度量 K-means 算法[J].小型微型计算机系统, 2018, 039(001): 53-57</p> <p>9 薛卫, 王雄飞, 赵南, 杨荣丽, 洪晓宇. 集成改进 KNN 算法预测蛋白质亚细胞定位[J].生物工程学报, 2017, 33 (4): 683-691</p> <p>10 吴晓红, 薛卫, 张梁. 基因组规模代谢网络模型自动化修正[J].食品与生物技术学报, 2017, 36 (9): 982-989</p> <p>11 Xue W, Hong X Y, Zhao N, et al. Predicting protein subcellular localization by approximate nearest neighbor searching[C]. Control and Decision Conference. IEEE, 2017</p> <p>12 Xue W, Yang R L, Hong X Y, et al. A novel k-Means based on spatial density similarity measurement[C]. Control and Decision Conference. IEEE, 2017</p> <p>13 王雄飞, 张梁, 薛卫(*), 赵南, 徐焕良. 相似性比对预测蛋白质亚细胞区间[J].微生物学通报, 2016, 43 (10): 2298-2305</p> <p>14 薛卫, 梁敬东, 林金星. 基于肤色信息与宽度优先搜索的 AAM 人脸特征定位算法[J]. 计算机科学, 2011, 38(8):275-277.</p> <p>15 柴文平, 薛卫, 张梁. 基因组规模代谢网络模型的自动化重构[J].食品与生物技术学报, 2009, 33 (9): 957-965</p>
<p>奖励荣誉</p>	
<p>社会兼职</p>	